



III Semana de Biologia

Meio ambiente e a perda da biodiversidade:
Qual o papel da sociedade diante da crise ambiental?

De 05 a 08 de novembro de 2025

Universidade Estadual do Sudoeste da Bahia – UESB
Campus Juvino Oliveira – Itapetinga, BA

SELEÇÃO DE PROTOCOLOS PARA EXTRAÇÃO DE DNA DE *Cordia superba* Cham. (BORAGINACEAE) VISANDO ESTUDOS MOLECULARES

Manuella Ribeiro Sousa²; Ana Paula Campos de Oliveira³; Elisa Susilene Lisboa dos Santos⁴

¹ Entidade financiadora da pesquisa (CAPES);

² Programa de Pós-graduação em Ciências Ambientais, Universidade Estadual do Sudoeste da Bahia, Itapetinga, BA, Brasil;

³ Programa de Pós-graduação em Ciências Ambientais, Universidade Estadual do Sudoeste da Bahia, Itapetinga, BA, Brasil;

⁴ Docente do Programa de Pós-graduação em Ciências Ambientais, Universidade Estadual do Sudoeste da Bahia, Itapetinga, BA, Brasil.

RESUMO: *Cordia superba* Cham. é uma espécie endêmica do Brasil com importância ecológica, ornamental e medicinal, mas ainda carece de estudos genético-moleculares. A obtenção de DNA de plantas representa um desafio, devido a presença de metabólitos secundários e polissacarídeos, que podem comprometer a qualidade do material genético. O objetivo deste estudo foi avaliar a eficiência de diferentes protocolos de extração de DNA em folhas de *C. superba*, coletadas no Parque Municipal da Matinha, Itapetinga-BA. Foram testados seis protocolos de extração de DNA, sendo quatro baseados em CTAB 2% e dois em SDS (0,5% e 0,7%). As principais diferenças entre os protocolos incluíram tempo de incubação em banho-maria, uso de clorofórmio:álcool isoamílico (24:1), utilização de nitrogênio líquido para reduzir degradação oxidativa, adição de agentes antioxidantes (β -mercaptoetanol e PVP) e tratamento com proteinase K. A qualidade e pureza do DNA foram avaliadas por eletroforese em gel de agarose e análises espectrofotométricas (BioDrop). Todos os protocolos possibilitaram a obtenção de DNA detectável, embora ainda apresentassem contaminação por compostos fenólicos e proteínas, refletida em razões A260/280 e A260/230 abaixo do ideal (valores ideais: 260/280 = 1,8–2,0; A260/230 = 2,0–2,2). O protocolo de CTAB 2%, modificado por Cerqueira-Silva *et al.* (2014), apresentou o melhor desempenho, com maior integridade observada no gel e valores de pureza próximos ao ideal (A260/280 = 1,7; A260/230 = 1,0), sendo considerado o mais eficiente. Este estudo pioneiro para *C. superba* estabelece uma base inicial para pesquisas genético-moleculares, contribuindo para aprimorar metodologias de extração de DNA mais puro e íntegro e fornecendo subsídios para investigações sobre diversidade genética, conservação e manejo da espécie.

PALAVRAS-CHAVE: Biotecnologia; Baba-de-boi; Conservação.