



## **Mapeamento cromossômico do DNAr 18s em nova espécie de *Scaptotrigona* Moure, 1942 (Hymenoptera: Apidae: Meliponini): Contribuição à citotaxonomia**

Weslei Santos Nascimento<sup>1</sup>; Vanderly Andrade-Souza<sup>1</sup>; Ana Maria Waldschmidt<sup>1</sup>

<sup>1</sup>Universidade Estadual do Sudoeste da Bahia, Departamento de Ciências Biológicas, Campus Jequié, BA, Brasil

E-mail: wesleisn20@gmail.com

O gênero *Scaptotrigona*, conhecido como “abelha-canudo”, apresenta ampla distribuição e elevada diversidade de espécies no Brasil. Entretanto, o conhecimento citogenético do grupo ainda é limitado, com poucos estudos baseados principalmente em técnicas convencionais. Diante disso, o presente estudo propõe o mapeamento do DNAr 18S em cromossomos mitóticos de uma nova espécie de *Scaptotrigona* (*Scaptotrigona* sp.), visando ampliar o conhecimento sobre a diversidade cromossômica em Meliponini e contribuir para a compreensão das relações evolutivas dentro do gênero. Para isso foram coletadas larvas pós-defecantes de colônias provenientes de João Pessoa (PB), cujos gânglios cerebrais foram tratados com solução hipotônica contendo colchicina (0,005%) e submetidos a preparações citogenéticas de acordo com protocolos previamente estabelecidos. Em seguida, realizou-se a hibridização *in situ* fluorescente (FISH) utilizando sonda de DNAr 18S marcada com biotina-14-dATP, FITC para detecção do sinal e 4',6-diamidino-2-fenilindol (DAPI) para contra-coloração. Os resultados mostraram quatro marcações para o DNAr 18S, distribuídas em dois pares cromossômicos nas regiões terminais e uma na região intersticial, padrão que difere daquele já descrito para espécies de *Scaptotrigona*, seis marcações em *Scaptotrigona* sp e 11 em *Scaptotrigona xanthotricha*, todas na região terminal. Essa divergência pode refletir rearranjos nas regiões de DNAr. Considerando que a população em estudo é uma nova espécie do gênero *Scaptotrigona*, o padrão diferenciado de distribuição do DNAr 18S pode representar um importante índice citogenético de divergência em relação às espécies já descritas, o que reflete uma trajetória evolutiva distinta, associada à fixação de rearranjos cromossômicos não compartilhados pelos demais táxons analisados.

**Palavras-Chave:** Abelha sem ferrão; Citogenética; FISH; Meliponini